
Identificación de componentes del microbioma intestinal que contribuyen a la activación de la respuesta inflamatoria y al daño intestinal en pacientes celíacos tratados

Nuestro proyecto de investigación permitirá identificar **componentes del microbioma intestinal** que puedan contribuir a la **activación de la respuesta inflamatoria y daño tisular** de la enfermedad celíaca (EC), aun cuando los pacientes son tratados con una dieta sin gluten (DSG). Para ello, se dispone de una cohorte de pacientes celíacos tratados con DSG durante un periodo de al menos un año y seguidos prospectivamente en el Hospital General de Tomelloso (HGT, Ciudad Real) y en el Hospital Universitario de La Princesa (HULP, Madrid). La particularidad de esta cohorte reside en que está especialmente bien caracterizada, ya que se conoce con precisión el grado de lesión de la mucosa tras el seguimiento durante meses de una DSG, mediante biopsia duodenal y según la escala de Marsh-Oberhuber; además, se dispone de una valiosa cantidad de meta-datos (anticuerpos anti-tTG, péptidos inmunogénicos en heces, encuestas validadas para EC, datos demográficos, etc.).

Estos datos se integrarán y se complementarán con nuevos de la composición y funciones del microbioma intestinal y la presencia de marcadores de inflamación en heces, que se relacionarán con la posible activación de rutas inmunológicas implicadas en la EC. Además, se llevará a cabo un avanzado análisis bioestadístico, integrando todos los datos que permitirá mejorar nuestra comprensión sobre la influencia de los distintos factores estudiados, particularmente el microbioma intestinal, que favorecen o dificultan la recuperación de las lesiones en la mucosa tras la adhesión a una DSG.

Los resultados de este proyecto, que cuenta con la financiación de la Beca “Celíacs de Catalunya”, pueden ser de gran relevancia desde el punto de vista científico ya que aportarán **nuevas claves sobre la patogenia de la EC**, así como desde el punto de vista clínico porque permitirá la **identificación de componentes del microbioma intestinal que contribuyen al daño tisular en la EC tratada** y, por tanto, pueden constituir nuevas dianas para el pronóstico y tratamiento, especialmente de las formas más graves de esta enfermedad y sus complicaciones más importantes.